Méthode élaboration table pour Dataviz :

* Activité CCAM, NGAP, MVT des NIP Identifiés
* Trier les patients par le critère suivant :
  + Acte de bloc opératoire intervenant au « nième » séjour.
  + Puis par typologie de parcours « avant chirurgie ».

Script – Exploration Parcours ICHOM

library("readxl")

library(ggplot2)

library(FactoMineR)

library("factoextra")

library(Factoshiny)

library(ggplot2)

Activite = read\_excel("C:\\Users\\v-weber\\Documents\\99-Perso\\Analyses statistiques\\Activité ICO\\Caracteristation parcours\\Activite\_sejour\_SH.xlsx")

res2=HCPCshiny(Activite)

res.PCA<-PCA(Activite,ncp=Inf, scale.unit=FALSE,quali.sup=c(1),graph=FALSE)

res.HCPC<-HCPC(res.PCA,nb.clust=6,consol=FALSE,graph=FALSE)

plot.HCPC(res.HCPC,choice='tree',title='Arbre hiérarchique')

plot.HCPC(res.HCPC,choice='map',draw.tree=FALSE,title='Plan factoriel')

plot.HCPC(res.HCPC,choice='3D.map',ind.names=FALSE,centers.plot=FALSE,angle=60,title='Arbre hiérarchique sur le plan factoriel')

write.csv2(res2.HCPC2$data.clust,"C:\\Users\\v-weber\\Documents\\98 - D.Referent\\Test Mining\\Analyse ICHOM\\Clusters\_ICHOM.csv")

<https://bioinfo.iric.ca/fr/ggplot2-101-visualisation-simple-pour-une-analysis-simple/>

Data\_ICHOM = read\_excel("C:\\Users\\v-weber\\Documents\\98 - D.Referent\\Test Mining\\Analyse ICHOM\\05- Activité ICHOM\_2019-2020 - Tablea\_J\_parcours.xlsx")

ggplot(data = Data\_ICHOM) + geom\_point(aes(x = JP\_ref\_bloc, y = Y\_acte)) + geom\_point(data= subset(Data\_ICHOM,Categorie=="Consultation" ), aes(x = JP\_ref\_bloc, y = Y\_acte), shape=21) + geom\_point(data= subset(Data\_ICHOM,Categorie=="Diagnostic"), aes(x = JP\_ref\_bloc, y = Y\_acte, shape=18) + geom\_point(data= subset(Data\_ICHOM,Categorie=="Traitement"), aes(x = JP\_ref\_bloc, y = Y\_acte), shape=25)

ggplot(data = Data\_ICHOM) + geom\_point(aes(x = JP\_ref\_bloc, y = Y\_acte)) + geom\_point(data= subset(Data\_ICHOM,Categorie=="Consultation" ), aes(x = JP\_ref\_bloc, y = Y\_acte), shape=18, size=1) + geom\_point(data= subset(Data\_ICHOM,Categorie=="Diagnostic" ), aes(x = JP\_ref\_bloc, y = Y\_acte), shape=25, size=2) + geom\_point(data= subset(Data\_ICHOM,Categorie=="Traitement" ), aes(x = JP\_ref\_bloc, y = Y\_acte), shape=21, size=3) + geom\_point(data= subset(Data\_ICHOM, Lieu\_type=="Bloc Opératoire" ), aes(x = JP\_ref\_bloc, y = Y\_acte), color="red")+ geom\_point(data= subset(Data\_ICHOM, Lieu\_type=="Bloc Opératoire" ), aes(x = JP\_ref\_bloc, y = Y\_acte), color="red")